

Aproximadamente el 50% de los cánceres de mama se definen como *HER2*-bajo y pueden beneficiarse de los conjugados anticuerpo-fármaco (ADC) dirigidos a *HER2*. Mientras que la secuenciación tisular ha evaluado las posibles diferencias en los perfiles genómicos de las pacientes con cáncer de mama *HER2*-bajo, las alteraciones genéticas en el ADN tumoral circulante (ctADN) no han sido bien descritas.

Por ello, en este estudio se analizó el ctADN de muestras de 749 pacientes con cáncer de mama metastásico (CMM). Los tumores se clasificaron como *HER2*-bajo, *HER2*-0 (IHC 0) o *HER2*-positivo. Se compararon las variantes de nucleótido único (SNV), las variantes del número de copias (CNV) y las vías oncogénicas en todo el espectro de expresión de *HER2*. La supervivencia global (SG) se evaluó en función del estado de *HER2* y de las vías oncogénicas.

Las pacientes con cáncer de mama *HER2*-positivo presentaban más alteraciones *ERBB2* y menos mutaciones *ESR1* que las pacientes con cáncer de mama *HER2*-cero. Las pacientes con cáncer de mama *HER2*-bajo presentaban más mutaciones en *PIK3CA* que las que tenían cáncer de mama *HER2*-cero. No hubo diferencias en los resultados de supervivencia global entre las pacientes con cáncer de mama *HER2*-bajo y aquellas con cáncer de mama *HER2*-cero. Sin embargo, aquellas con cáncer de mama *HER2*-positivo mostraron mejores resultados en comparación con los otros dos grupos.

En general, el panorama genético era muy similar entre las pacientes con cáncer de mama *HER2*-bajo y *HER2*-cero, y los resultados clínicos eran comparables. Estos resultados apoyan el creciente consenso de que el estado *HER2*-bajo no es una entidad biológica distinta.

[Genetic Alterations Detected Using ctDNA Analysis in Patients With HER2-Low Metastatic Breast Cancer | PracticeUpdate](#)

*ALTERACIONES GENÉTICAS DETECTADAS MEDIANTE ANÁLISIS DE CTADN EN
PACIENTES CON CÁNCER DE MAMA METASTÁSICO HER2-BAJO*

Published in [Oncology](#) and [1 other channel](#) ▾
Journal Scan / Research · July 03, 2023



Genetic Alterations Detected Using ctDNA Analysis in Patients With HER2-Low Metastatic Breast Cancer

Clinical Cancer Research

Save	Recommend	Share ▾	Get Topic Alerts
------	-----------	---------	------------------