

En este análisis auxiliar del estudio RTOG 9601, los investigadores validaron un panel clasificador genómico de 22 genes como un biomarcador predictivo de metástasis a distancia en hombres con cáncer de próstata recurrente después de una prostatectomía radical. La cohorte final incluyó a 352 hombres, el 89,2% de los cuales eran blancos. Se encontró que las puntuaciones del clasificador genómico en la cohorte final se asociaron con un riesgo bajo en el 42% de los pacientes, intermedio en el 38% y alto en el 20% de los pacientes. El análisis multivariado reveló una asociación significativa entre la puntuación del clasificador genómico y las metástasis a distancia, la mortalidad específica por cáncer de próstata y la supervivencia general.

Los hallazgos de este estudio representan la primera validación de un clasificador genómico basado en el transcriptoma completo como un biomarcador predictivo para ayudar a guiar la toma de decisiones en pacientes con cáncer de próstata recurrente después de una prostatectomía radical. Es posible que se necesiten estudios adicionales para ampliar aún más la cohorte analizada y permitir una mayor generalización.

Referencia: <https://jamanetwork.com/journals/jamaoncology/article-abstract/2776225>

New Online | Views **2,756** | Citations **0** | Altmetric **251** | Comments

Original Investigation

ONLINE FIRST

February 11, 2021

Validation of a 22-Gene Genomic Classifier in Patients With Recurrent Prostate Cancer An Ancillary Study of the NRG/RTOG 9601 Randomized Clinical Trial

Felix Y. Feng, MD^{1,2,3}; Hwei-Chung Huang, MA⁴; Daniel E. Spratt, MD⁵; [et al](#)

[» Author Affiliations](#)

JAMA Oncol. Published online February 11, 2021. doi:10.1001/jamaoncol.2020.7671